

Más de 1.000 secuencias de genomas del virus

• En Navarra, el proyecto de secuenciación lo realizan Microbiología del Complejo Hospitalario y la empresa pública Nasertic

DN Pamplona

Desde que a mediados de marzo Navarra comenzó a secuenciar cepas de covid-19, ha compartido más de 1.000 secuencias de genomas del virus, lo que supone un porcentaje de 219 genomas por 100.000 habitantes, frente a la media nacional de 34 secuenciaciones por cada 100.000 habitantes, según expuso el Gobierno foral.

El proyecto de secuenciación lo realizan, de forma conjunta, el Servicio de Microbiología del Complejo Hospitalario de Navarra y la empresa pública Nasertic. Hasta el momento España ha aportado a la base de datos casi 16.000 secuencias procedentes de diferentes instituciones repartidas por todo el territorio nacional, de las que 1.479 (el 19% del total) proceden de Navarra: 1.039 subidas en marzo y 440 enviadas hace meses a Valencia en el marco del proyecto de investigación nacional SeqCOVID. Este miércoles se compartirán otras 350 muestras más, aseguró el Gobierno foral.

